

Curso "MICOLOGÍA Y FILOGENÉTICA: EL USO DE SECUENCIAS GENÉTICAS PARA LA CONSTRUCCIÓN DE ÁRBOLES FILOGENÉTICOS Y DELIMITACIÓN DE ESPECIES EN HONGOS".

Lugar: Academia ALBANTA. Calle Campoamor 102. Valencia

Días 1 y 2 de febrero de 2020

El curso está abierto a todos los aficionados a la micología en general.

El contenido y desarrollo del curso puede sufrir variaciones.

Es indispensable que cada asistente traiga su propio ordenador portátil con acceso a internet.

Ponente: El Curso será impartido por Isaac Garrido-Benavent, Licenciado en Ciencias Biológicas por la Universitat de València. Doctor en Ciencias Biológicas por la Universidad Complutense de Madrid. Miembro del Comité científico de SOMIVAL

Programa. Se compondrá de sesiones teórico-prácticas en las que se abordarán los siguientes puntos:

Sábado 1	
9.30 - 10.00h.	Recepción de Asistentes, y entrega de materiales. Presentación del Curso.
10.00 - 13.30h.	Ponencias.
11:00 - 11:30h.	<ul style="list-style-type: none"> • Conceptos de genética básicos para el tratamiento de secuencias de ADN. Técnicas para la obtención de datos genéticos en hongos. • Pausa para el café. • Tratamiento de las secuencias de ADN. Búsqueda de secuencias en repositorios o bases de datos online. Uso de la herramienta BLAST. • Análisis de las secuencias: el alineamiento, la inferencia del mejor modelo de sustitución nucleotídica y principales metodologías de inferencia de árboles filogenéticos. • Preparación de los ordenadores portátiles para la Sesión Práctica.
15.00 - 19.30h	Sesiones prácticas
17.00- 17.30h	<ul style="list-style-type: none"> • I. Trabajo con secuencias propias o descargadas de la base de datos de GenBank: edición de los archivos. Ab1 (electroferogramas originales), alineamiento e inferencia mejor modelo de sustitución nucleotídica. • Pausa para el café. • II. Estimación de filogenias con Máxima Verosimilitud e Inferencia Bayesiana. Uso de Portales Online para correr los análisis
Domingo 2	
9.45 -13.30h.	Ponencias y Sesiones prácticas.
11:30 - 11:45h	<ul style="list-style-type: none"> • Interpretación de árboles filogenéticos, utilidad y representación para su publicación en revistas científicas. • Continuación de la Sesión Práctica II. • Pausa para el café. • Árboles filogenéticos y secuencias de ADN para la delimitación de especies de hongos. Taxonomía integradora y otras aplicaciones. • Sesión Práctica III. Delimitación de especies con ABGD.

